

5 ttg ctc aaa gat agc tcc cca gaa gat ctc att gcc ggt gtt cgc gat 569
 Leu Leu Lys Asp Ser Ser Pro Glu Asp Leu Ile Ala Gly Val Arg Asp
 110 115 120

10 gcc gcg cgg gga gaa tca gtg ctt tca aag cag gtc gcc agc aag atc 617
 Ala Ala Arg Gly Glu Ser Val Leu Ser Lys Gln Val Ala Ser Lys Ile
 125 130 135

15 atg ggg cgg atg aac aac ccc atg act gct ctc agt gcc aga gaa att 665
 Met Gly Arg Met Asn Asn Pro Met Thr Ala Leu Ser Ala Arg Glu Ile
 140 145 150 155

20 gaa gtg ctg tcc ttg gtg gcg caa ggg caa agc aat aga gaa atc ggc 713
 Glu Val Leu Ser Leu Val Ala Gln Gly Gln Ser Asn Arg Glu Ile Gly
 160 165 170

25 aag aaa ctt ttc ctc act gag gcc acg gtg aaa agt cac atg ggg cat 761
 Lys Lys Leu Phe Leu Thr Glu Ala Thr Val Lys Ser His Met Gly His
 175 180 185

30 gtg ttc aac aag ctg gat gtc acc tct aga aca gct gcg gta gct gaa 809
 Val Phe Asn Lys Leu Asp Val Thr Ser Arg Thr Ala Ala Val Ala Glu
 190 195 200

35 gcc aga cag cgc gga att atc tagacgcaca cgtgttggtgta accgatcaca 860
 Ala Arg Gln Arg Gly Ile Ile
 205 210

40 ccagcgcacg ctgctaattct tcactccatg aacaagggtgc agcgcaggtc actgatggcg 920
 ttgtgcatga cgggtggcatt tgctggagga agcctgaccg cgtgcacacc tcgtcctgat 980
 accgcagacc ccatcgcaga ggaattcctt caagcttggg catcgcaaga tt 1032

45 <210> 2
 <211> 210
 <212> PRT
 <213> Corynebacterium glutamicum

50 <400> 2
 Met Ile Arg Ile Leu Leu Ala Asp Asp His Pro Val Val Arg Ala Gly
 1 5 10 15

55 Leu Ala Ser Leu Leu Val Ser Glu Asp Asp Phe Glu Ile Val Asp Met
 20 25 30

60 Val Gly Thr Pro Asp Asp Ala Val Ala Arg Ala Ala Glu Gly Gly Val
 35 40 45

65 Asp Val Val Leu Met Asp Leu Arg Phe Gly Asp Gln Pro Gly Ile Glu
 50 55 60

70 Val Ala Gly Gly Val Glu Ala Thr Arg Arg Ile Arg Ala Leu Asp Asn
 65 70 75 80

75 Pro Pro Gln Val Leu Val Val Thr Asn Tyr Ser Thr Asp Gly Asp Val
 85 90 95

Val Gly Ala Val Ser Ala Gly Ala Val Gly Tyr Leu Leu Lys Asp Ser
 100 105 110

5 Ser Pro Glu Asp Leu Ile Ala Gly Val Arg Asp Ala Ala Arg Gly Glu
 115 120 125

Ser Val Leu Ser Lys Gln Val Ala Ser Lys Ile Met Gly Arg Met Asn
 130 135 140

10 Asn Pro Met Thr Ala Leu Ser Ala Arg Glu Ile Glu Val Leu Ser Leu
 145 150 155 160

15 Val Ala Gln Gly Gln Ser Asn Arg Glu Ile Gly Lys Lys Leu Phe Leu
 165 170 175

Thr Glu Ala Thr Val Lys Ser His Met Gly His Val Phe Asn Lys Leu
 180 185 190

20 Asp Val Thr Ser Arg Thr Ala Ala Val Ala Glu Ala Arg Gln Arg Gly
 195 200 205

Ile Ile
 210

25

<210> 3
 <211> 323
 30 <212> DNA
 <213> Corynebacterium glutamicum

<220>
 <223> lysR3int

35

<400> 3
 gatgtggtgt tgatggatct gcgttttgggt gatcaaccag gcatcgaggt cgccggcgagg 60
 gtagaggcaa cgcgtcgcat ccgtgcgctg gacaaccgc cacaggtact ggtggtgacc 120
 aactactcca cagacggcga tgtggtgggc gcagtatctg ctggtgccgt ggggtatttg 180
 40 ctcaaagata gctccccaga agatctcatt gccggtgttc gcgatgccgc gcggggagaa 240
 tcagtgtttt caaagcaggt cgccagcaag atcatggggc ggatgaacaa ccccatgact 300
 gctctcagtg ccagagaaat tga 323

45

Folgende Figuren sind beigelegt:

Figur 1: Karte des Plasmids pCR2.1lysR3int.

Die verwendeten Abkürzungen und Bezeichnungen haben folgende Bedeutung.

KmR: Kanamycin Resistenz-Gen

EcoRI: Schnittstelle des Restriktionsenzym EcoRI

lysR3int: internes Fragment des lysR3-Gens

ColE1 ori: Replikationsursprung des Plasmids ColE1

Patentansprüche

1. Isoliertes Polynukleotid aus coryneformen Bakterien, enthaltend eine für das lysR3-Gen kodierende Polynukleotidsequenz, ausgewählt aus der Gruppe
 - 5 a) Polynukleotid, das mindestens zu 70% identisch ist mit einem Polynukleotid, das für ein Polypeptid kodiert, das die Aminosäuresequenz von SEQ ID No. 2 enthält,
 - 10 b) Polynukleotid, das für ein Polypeptid kodiert, das eine Aminosäuresequenz enthält, die zu mindestens zu 70% identisch ist mit der Aminosäuresequenz von SEQ ID No. 2,
 - c) Polynukleotid, das komplementär ist zu den Polynukleotiden von a) oder b), und
 - 15 d) Polynukleotid, enthaltend mindestens 15 aufeinanderfolgende Nukleotide der Polynukleotidsequenz von a), b), oder c),

wobei das Polypeptid bevorzugt die Aktivität des Transkriptionsregulators LysR3 aufweist.
- 20 2. Polynukleotide gemäß Anspruch 1, wobei das Polynukleotid eine in coryneformen Bakterien replizierbare, bevorzugt rekombinante DNA ist.
3. Polynukleotide gemäß Anspruch 1, wobei das Polynukleotid eine RNA ist.
- 25 4. Replizierbare DNA gemäß Anspruch 2 enthaltend
 - (i) die Nukleotidsequenz, gezeigt in SEQ ID No. 1, oder